

Viernes 11 de febrero de 2011
a las 13.00 horas
SEMINARIO

Herramientas moleculares para la mejora de la rosa (*Rosa sp.*)

Ana María Torres

Ninguna especie ornamental tiene tanto atractivo como el rosal. Ya estaban presentes formando guirnaldas en algunas tumbas egipcias y la expansión del cultivo ha ido unida a la de las civilizaciones que la cultivaban y admiraban. En consecuencia, se realizó una intensa labor de mejora empírica pero aun se dispone de escasa información acerca de la herencia de caracteres importantes en las rosas cultivadas. El incremento en las demandas de calidad en las nuevas variedades y la competencia de terceros países hace necesarias nuevas y más eficientes estrategias de mejora. La introgresión de genes de especies silvestres en el fondo genético de las rosas modernas podría ser más efectivo si se conociera la base genética de los caracteres de importancia económica más relevantes y si se identificaran marcadores moleculares que facilitaran su selección.

Nuestro grupo formado por miembros del IFAPA Alameda del Obispo y del Departamento de Genética de la UCO, lleva años investigando en este cultivo y colaborando con empresas andaluzas en la mejora de sus características. Nuestros trabajos comenzaron en 1992, cuando la firma Universal Plantas S.A. nos solicitó una prueba de ADN para obtener un patrón de bandas o *fingerprinting* de sus variedades.



Paralelamente hemos desarrollado uno de los 6 mapas genéticos disponibles en la especie, basado en el cruceamiento entre una rosa *Blusa noisette* y *R. Wichuraiana* donde detectamos regiones del genoma responsables de caracteres de interés ornamental y resistencia a enfermedades. En este seminario se abordarán dichos aspectos y se presentarán los trabajos descritos con los que esperamos contribuir a la mejora de la especie y ofrecer una serie de marcadores moleculares útiles para el desarrollo de variedades más atractivas, resistentes y que cubran las nuevas demandas del sector.

